

Table S5. Genetic distance (%) under the Tamura-Nei model between species for 28S (below diagonal) and for ITS2 (above diagonal). Diagonal values represent the genetic distance within species (in parenthesis the ITS2 distances). n.a.: not available.

	Species	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15
1	<i>S. minuta</i>	n.a. (n.a.)	n.a.	n.a.	n.a.	n.a.	n.a.	n.a.	n.a.	n.a.	n.a.	n.a.	n.a.	n.a.	n.a.	n.a.
2	<i>P. papatasi</i>	9.87	0.25 (0)	6.94	10.83	11.14	26.83	20.50	20.77	17.16	23.79	23.61	27.48	22.45	25.40	n.a.
3	<i>P. alexandri</i>	8.42	2.95	0 (0)	6.99	8.93	32.62	27.31	27.53	23.62	28.49	28.31	29.98	27.11	30.26	n.a.
4	<i>P. similis</i>	9.04	2.57	3.48	0 (0)	1.94	27.07	23.53	25.89	22.24	29.76	29.58	32.47	27.08	30.21	n.a.
5	<i>P. sergenti</i>	8.72	3.07	4.06	0.73	0.19 (1.29)	26.97	23.70	25.92	22.15	30.20	30.02	32.80	27.25	30.39	n.a.
6	<i>P. killicki</i>	11.48	9.08	9.71	9.09	9.65	n.a. (n.a.)	12.04	10.80	10.91	22.33	22.42	27.55	20.31	22.01	n.a.
7	<i>P. simici</i>	11.51	9.09	9.74	9.24	9.35	1.57	0.08 (0)	6.14	6.25	17.85	20.01	23.89	16.97	20.97	n.a.
8	<i>P. halepensis</i>	11.47	9.07	9.70	9.08	9.20	0.76	1.18	n.a. (0)	3.46	17.78	19.99	21.54	17.85	20.55	n.a.
9	<i>P. creticus</i>	11.92	9.30	9.92	9.08	9.63	1.54	1.49	1.14	0 (0)	20.28	20.13	22.67	15.77	18.38	n.a.
10	<i>P. perfiliewi</i>	12.26	8.87	9.15	8.97	9.60	4.90	5.34	4.90	5.10	0.13 (0)	3.47	6.44	7.89	10.38	n.a.
11	<i>P. perniciosus</i>	n.a.	n.a.	n.a.	n.a.	n.a.	n.a.	n.a.	n.a.	n.a.	n.a.	n.a. (n.a.)	4.63	7.86	9.38	n.a.
12	<i>P. tobbi</i>	13.11	8.86	9.29	8.25	8.44	5.52	5.13	5.10	5.72	1.40	n.a.	0 (0.67)	10.14	12.70	n.a.
13	<i>P. syriacus</i>	n.a.	n.a.	n.a.	n.a.	n.a.	n.a.	n.a.	n.a.	n.a.	n.a.	n.a.	n.a.	n.a. (n.a.)	3.47	n.a.
14	<i>P. neglectus</i>	11.28	9.49	9.26	9.30	9.92	5.90	6.79	6.11	6.34	4.74	n.a.	5.28	n.a.	0 (0.85)	n.a.
15	<i>P. cf. major</i>	11.49	9.06	8.83	8.86	9.49	5.50	5.96	5.70	5.51	3.93	n.a.	4.47	n.a.	1.91	0 (n.a.)